

Stammzuchtung

Selektion von natürlichen Varianten

Ungerichtete genetische Veränderungen

zufallsverteilte induzierte Mutagenese

Kreuzungen – genetische Rekombination

Sexuelle Kreuzungen

Induzierte Zellfusion

parasexuelle Systeme (Konjugation, Transduktion, Transformation)

(Gezielte) Genmanipulationen – Gentechnik

in vitro Rekombination von DNA-Fragmenten

Einbau und funktionelle Expression von zusätzlicher DNA in Organismen

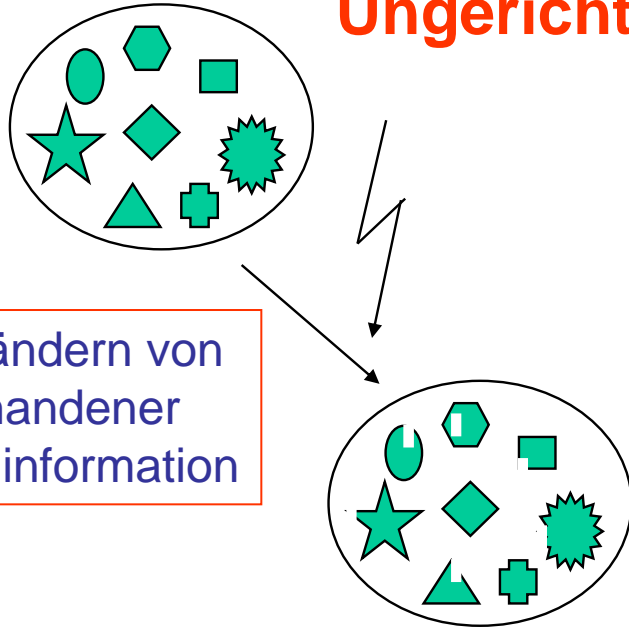
eigenständig replizierende Vektoren – Integration in Chromosomen

Entfernen/Ausschalten von Geninformation

in vitro Mutagenese (Gene für spezifische Proteine / Enzyme)

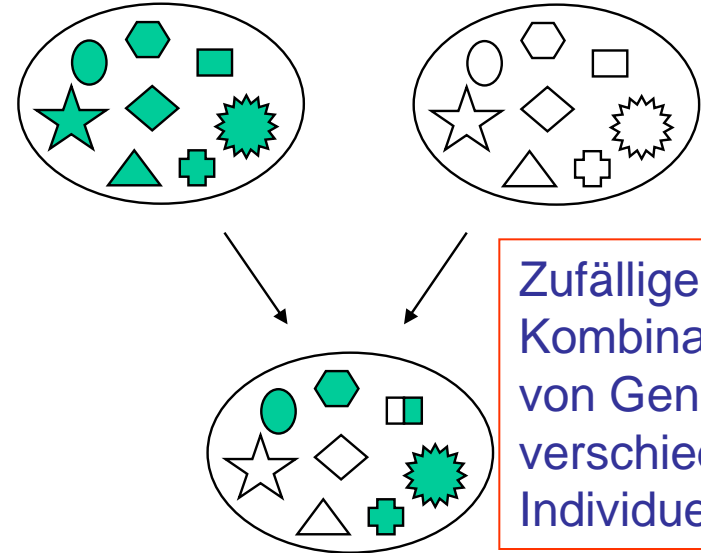
stellenspezifisch - random („directed evolution“)

Ungerichtete Mutation



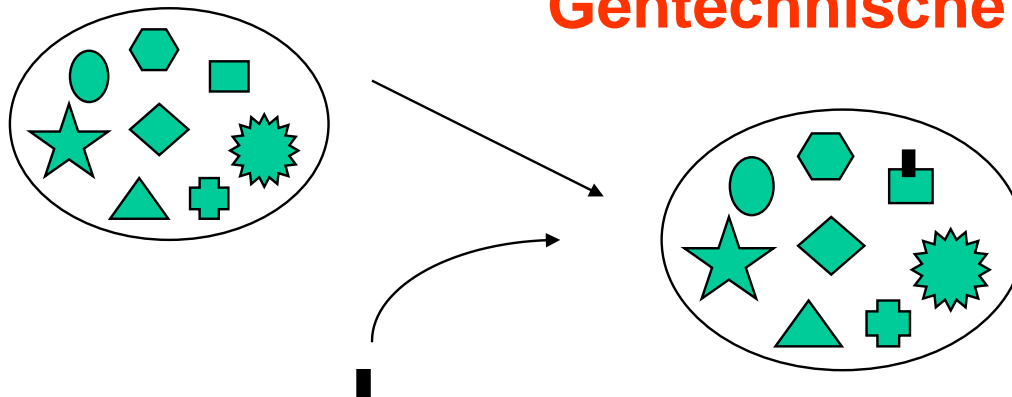
Verändern von vorhandener Geninformation

Kreuzung



Zufällige Kombination von Genen aus verschiedenen Individuen

Gentechnische Modifikation



Gerichteter Transfer von zusätzlicher Geninformation

Zufallsverteilte Mutationen

Basensubstitutionen
Deletionen
Insertionen

Induzierte Mutagenese

- **Behandlung mit Chemikalien**
Alkylierende Substanzen
Basenanaloge
- **Einsatz von energiereicher Strahlung**
UV
Ionisierende Strahlung (Röntgen, γ)

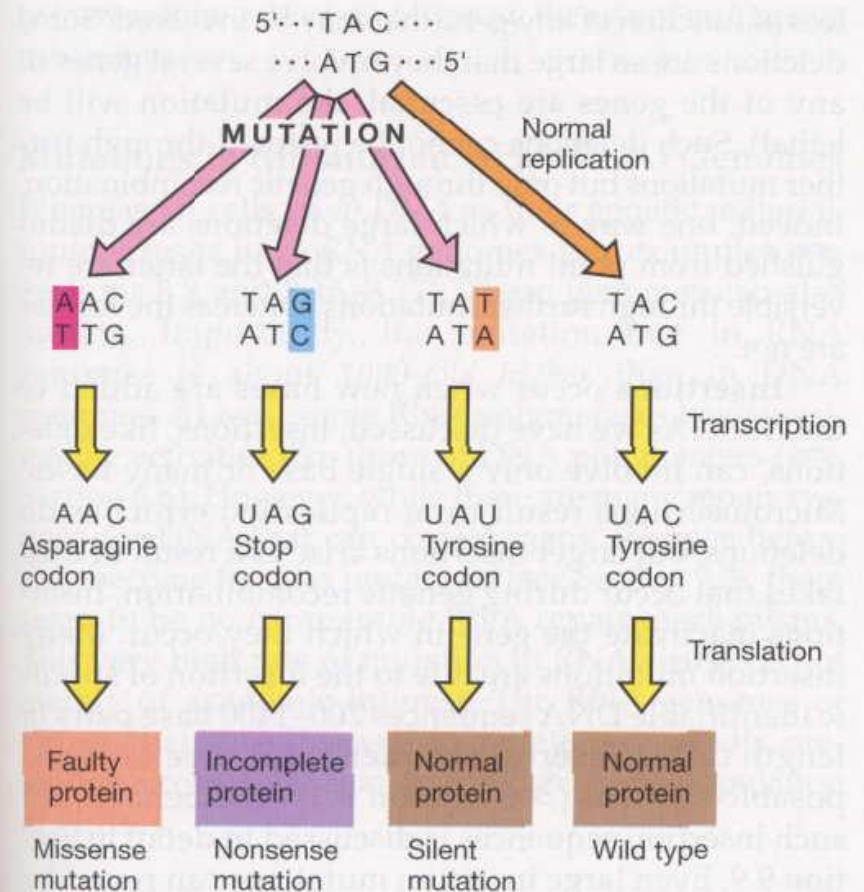
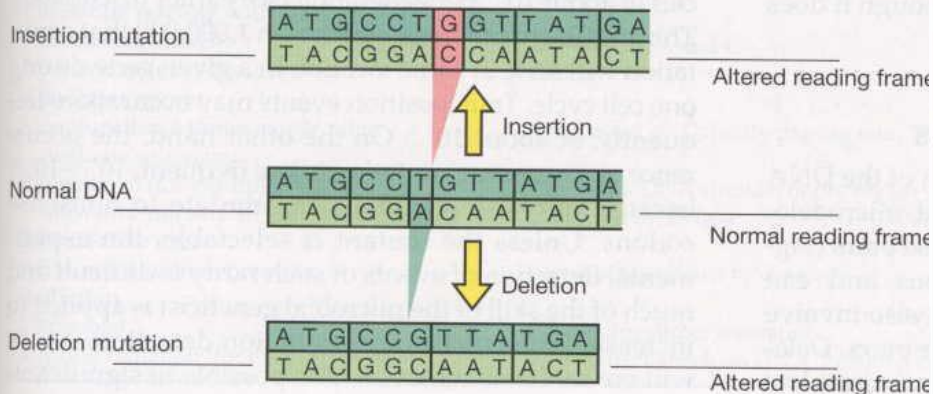


FIGURE 9.3 Possible effects of base-pair substitution in a gene encoding a protein: three different protein products from changes in the DNA for a single codon.

Evolutionäre Stammentwicklung

Herstellung von Variantenpools

Analyse einer geeigneten Anzahl von Klonen auf gewünschte Eigenschaft

Selektionsverfahren

Screeningverfahren

Auswahl von “Hits”

Re-screening – Bestätigung der verbesserten Eigenschaft

Weitere Runden

Einsatz in Laborprozess

Scale-up

Screening – Selektion

Erkennen/Analyse – Wachstumsvorteil

Individuelle Auslese

Hoher Durchsatz – high throughput

- Hoher Durchsatz an Klonen
- geeignete analytische Verfahren
- Automatisierung

Methoden:

- Schüttelkolbenverfahren
- Plattentests auf Einzelkolonieebene
- Mikrotiterplattenverfahren
- Verfahren auf Einzelzellebene - FACS

Rationales Screening und Selektionsverfahren

Gezielte, auf biochemischem/genetischem Wissen basierende Verfahren

- Isolierung gezielter Stoffwechselmutanten
- Reportersysteme
- Wachstumsvorteil von gesuchten Mutanten
- Genomics – Proteomics – Metabolomics

Generation of Variants
* Mutation
* Recombination
* Recombinant DNA

Recycle new parent

Optimize & Implement at Production-scale

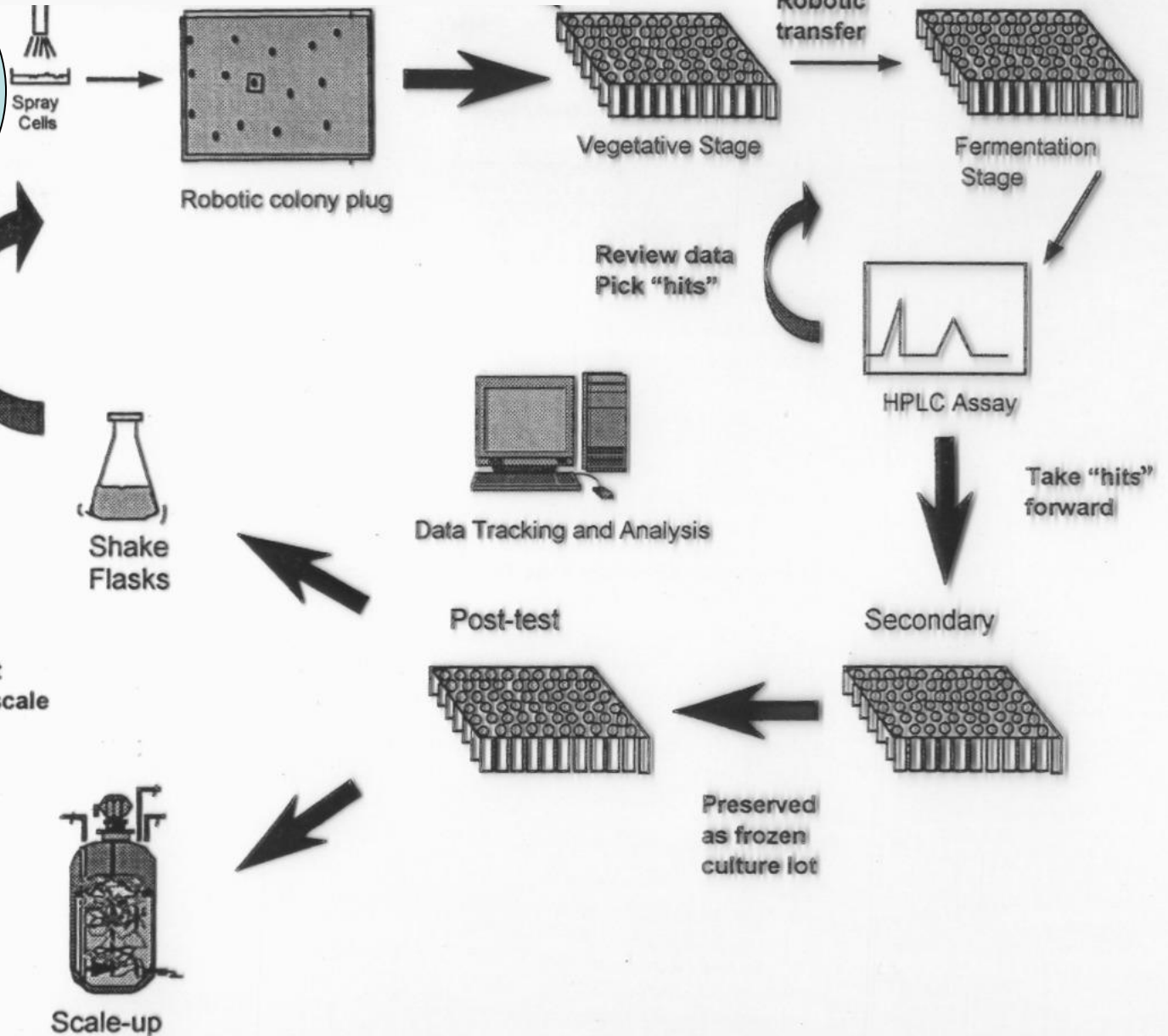


FIGURE 1 Schematic representation of an automated screening system.

Rationale Ansätze für Stammverbesserung

Wissen um Zusammenhänge
Im Stoffwechsel

Regulation

Regulation der Genexpression

Regulation der Enzymaktivität

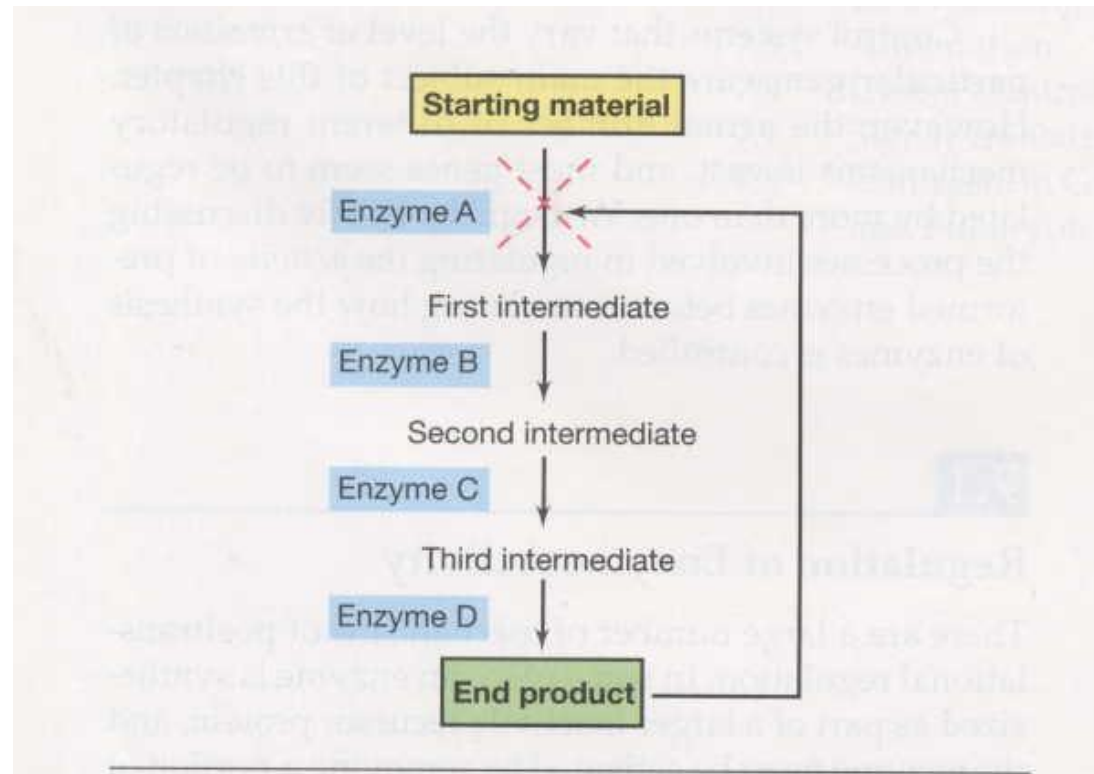


FIGURE 7.2 Feedback inhibition of enzyme activity. The activity of the first enzyme of the pathway is inhibited by the end product, thus controlling production of end product.

Rationale Ansätze für Stammverbesserung

Wissen um Zusammenhänge bei der Funktion von im Stoffwechsel beteiligten Enzymen

Regulation der Enzymaktivität

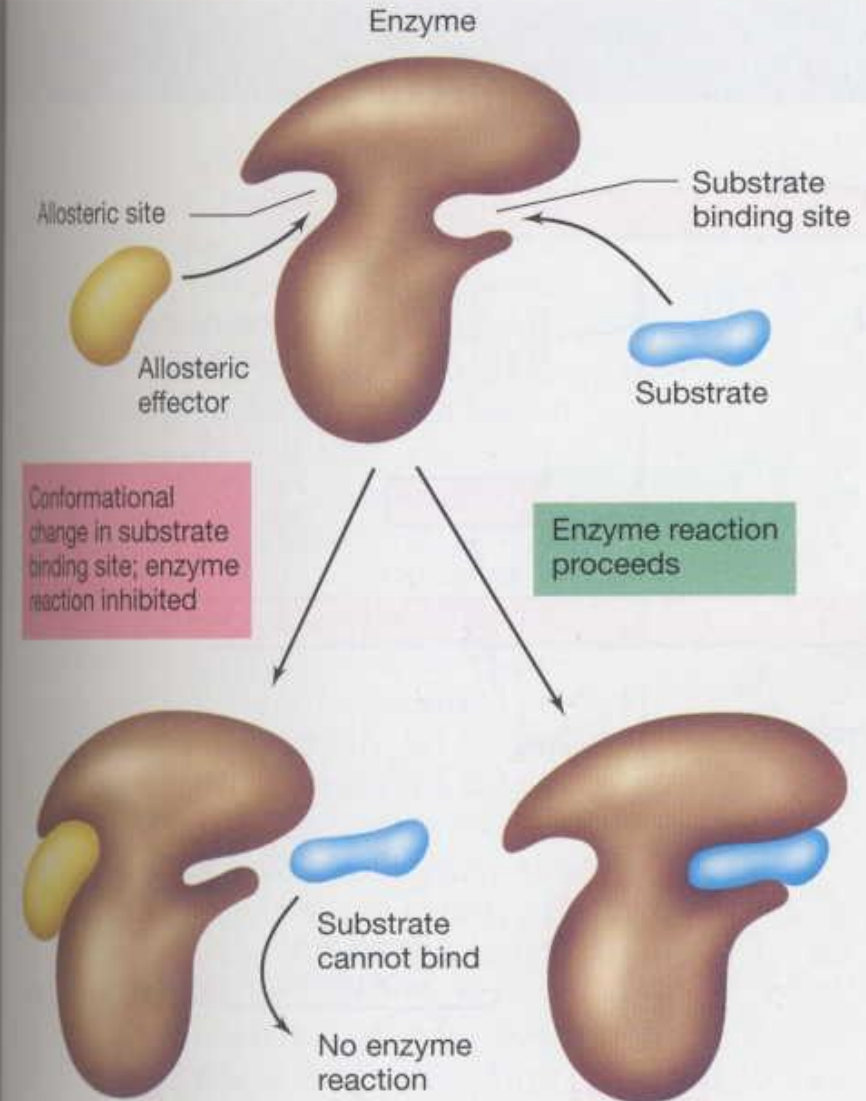
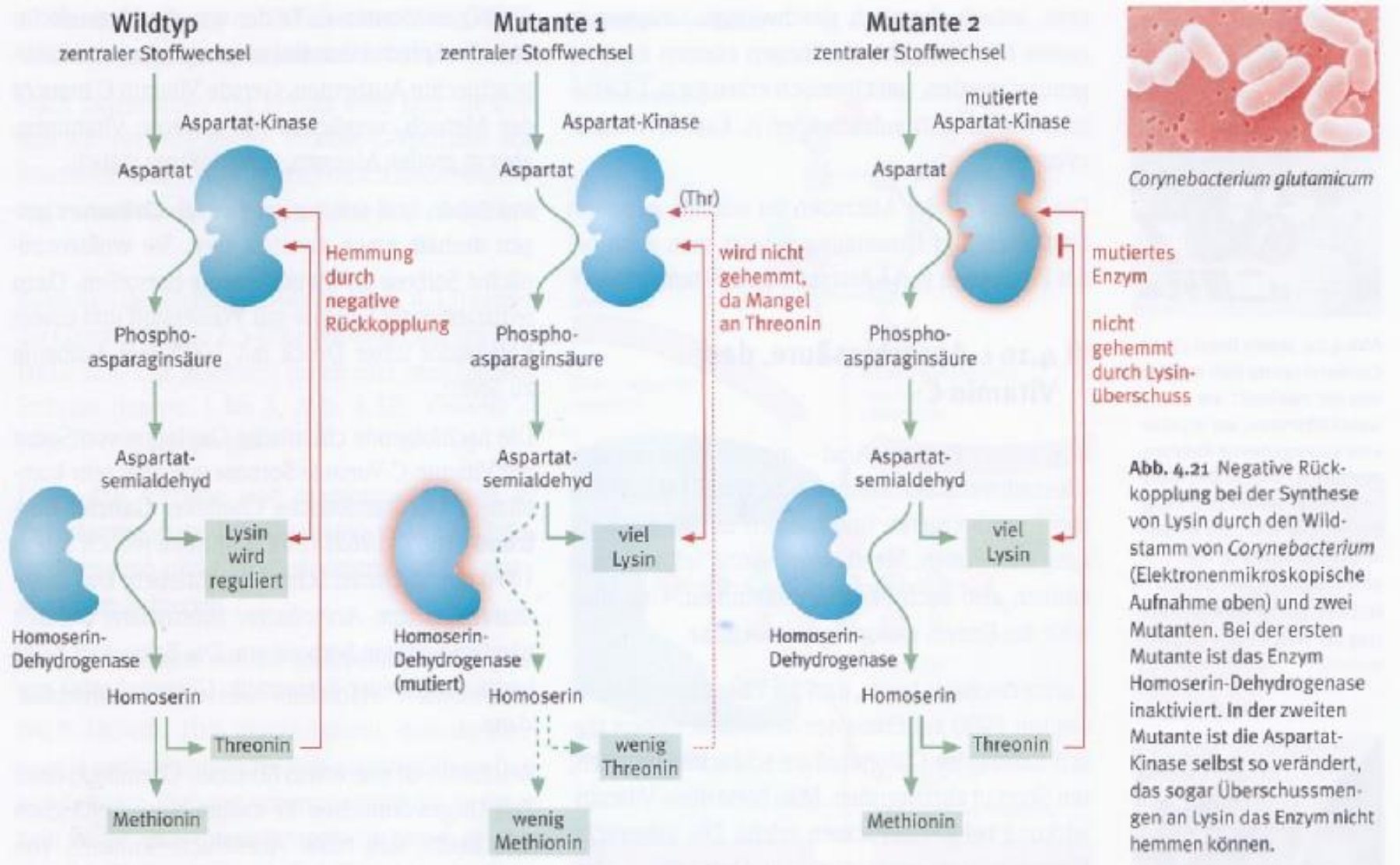


FIGURE 7.3 Mechanism of enzyme inhibition by an allosteric effector. When the effector combines with the allosteric site, the conformation of the enzyme is altered so that the substrate can no longer bind.

Ausschalten der Feedback-Regulation



Screening - Rationale Elemente

Tabelle 16.3. Ausscheidung von Aminosäuren durch auxotrophe Mutanten

Mutanten (Phänotyp)	Produzierte Aminosäure
Tyrosin ⁻	Phenylalanin
Phenylalanin ⁻	Tyrosin
Phe ⁻ , Tyr ⁻	Tryptophan
Homoserin ⁻	Lysin
Leucin ⁻	Valin

Auxotrophe Mutanten

Tabelle 16.2. Aminosäure-Antimetabolite zur Selektion von Lysin-, Threonin- oder Tryptophan-Überproduzenten

Lysin-Antimetabolite	Threonin-Antimetabolite	Tryptophan-Antimetabolite
s-(2-Aminoethyl)-l-cystein	α -Amino- β -hydroxyvaleriansäure	5-Methyltryptophan
4-Oxalysin	β -Hydroxyleucin	4-Methyltryptophan
l-Lysin-hydroxamat	Norleucin	6-Methyltryptophan
2,6-Diamino-4-hexensäure	Aminohydroxyvaleriansäure	5-Fluortryptophan
δ -Hydroxylysin	Norvalin	6-Fluortryptophan
α -Chlorcaprolactam	N-2-Thienylmethionin	DL-7-Azatryptophan
Trans-4,5-dehydrolysin	2-Amino-3-methylthiobuttersäure	2-Azatryptophan
	2-Amino-3-hydroxyhexensäure	

Antimetabolit-resistente Mutanten

Rekombinationsgenetik

Gezieltes Kreuzen von Organismen

Zellfusionen

Gentransfer durch parasexuelle Mechanismen

Immer notwendig:

Screening - Selektion

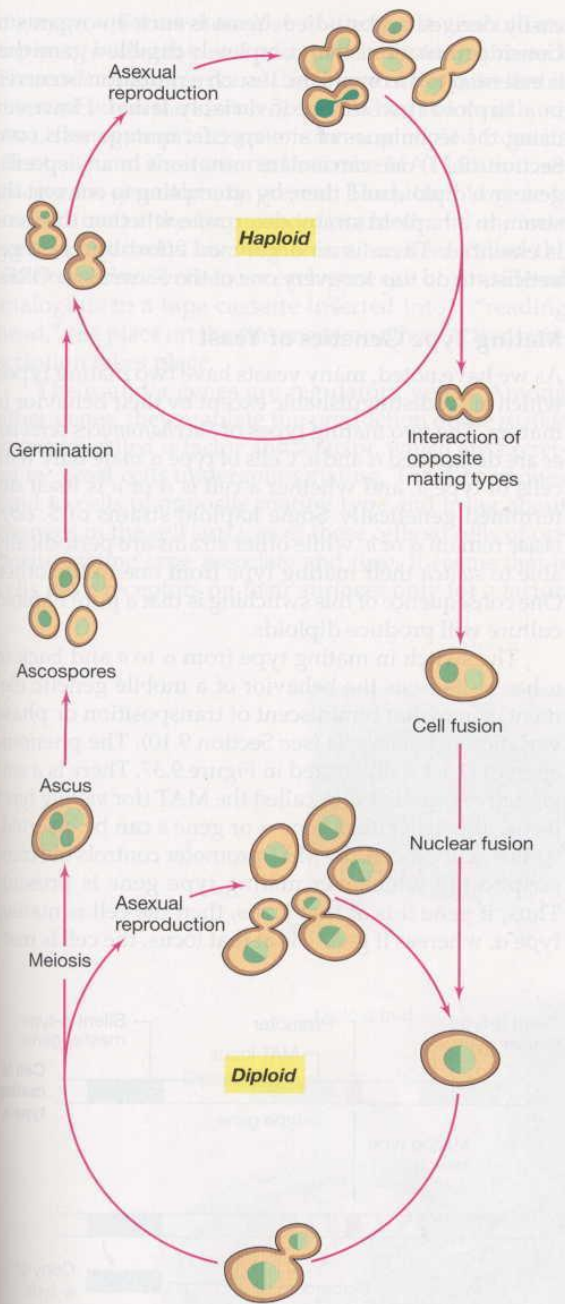


FIGURE 9.36 Life cycle of a typical yeast, *Saccharomyces cerevisiae*. A haploid cell of *S. cerevisiae* contains 16 chromosomes.

Rekombinante DNA Technologie

→ GVO

Transgene Mikroorganismen

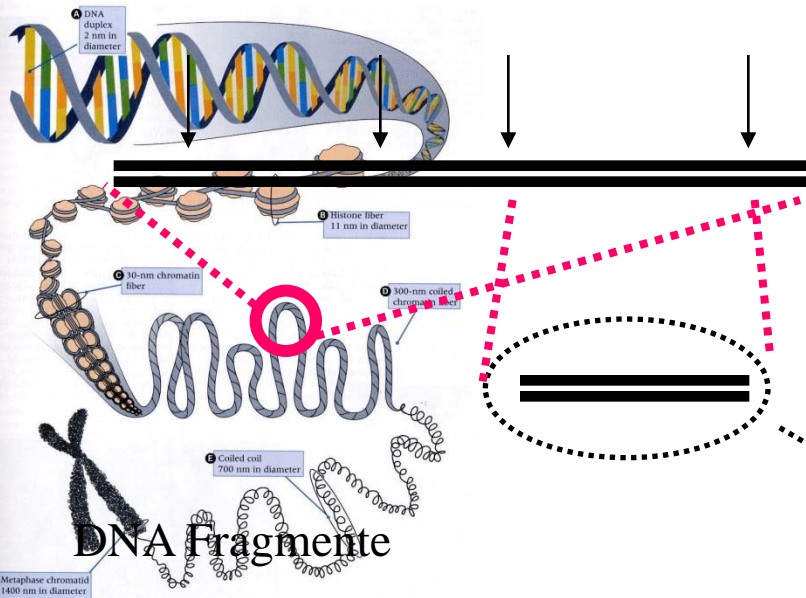
Transgene Pflanzen

Transgene Tiere

Gentherapie am Menschen

Gezielte Handhabung
von Geninformation

Herstellen von rekombinanten DNA Molekülen (Klonieren)



Schneiden mit Restriktionsenzym

Ligation mit DNA Ligase

Einbringen in lebende Zellen

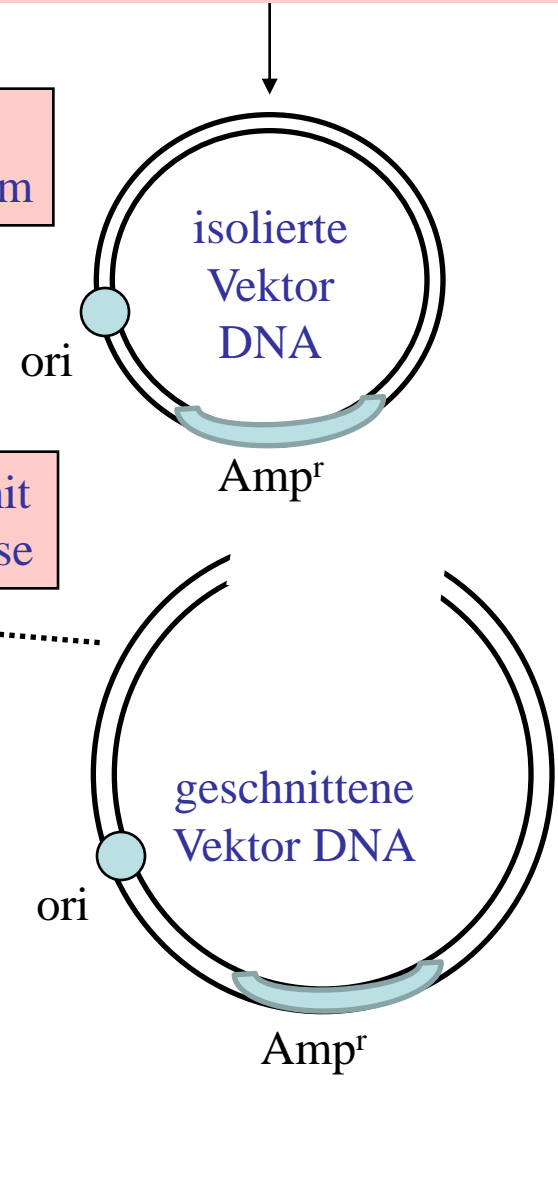
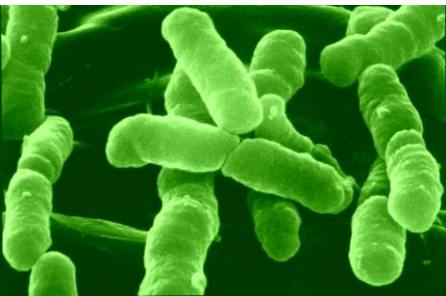
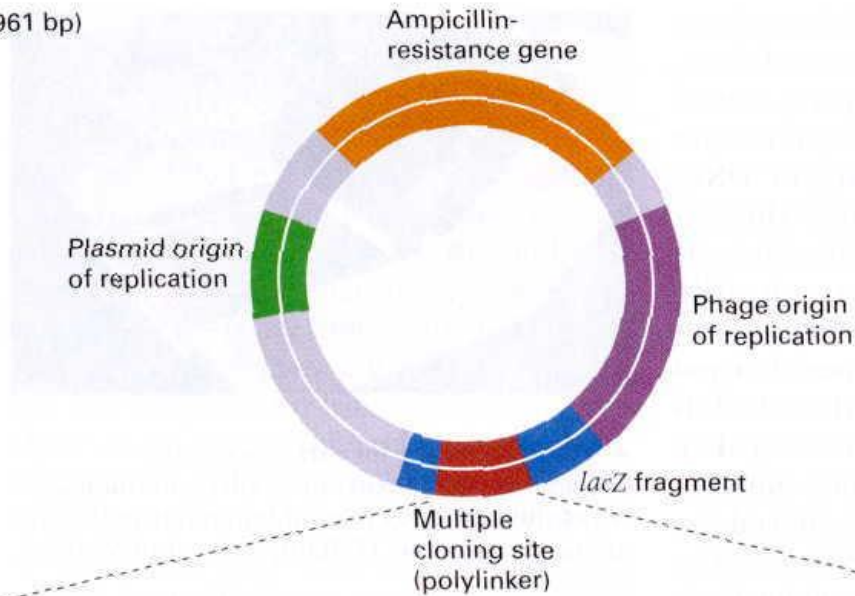


Figure 8-9 Various stages in the condensation of DNA (A) and chromatin (B through E) in forming a metaphase chromosome (F). The dimensions indicate known sizes of intermediates, but the detailed structures are hypothetical.



(A) pBluescript plasmid (2961 bp)



(B)

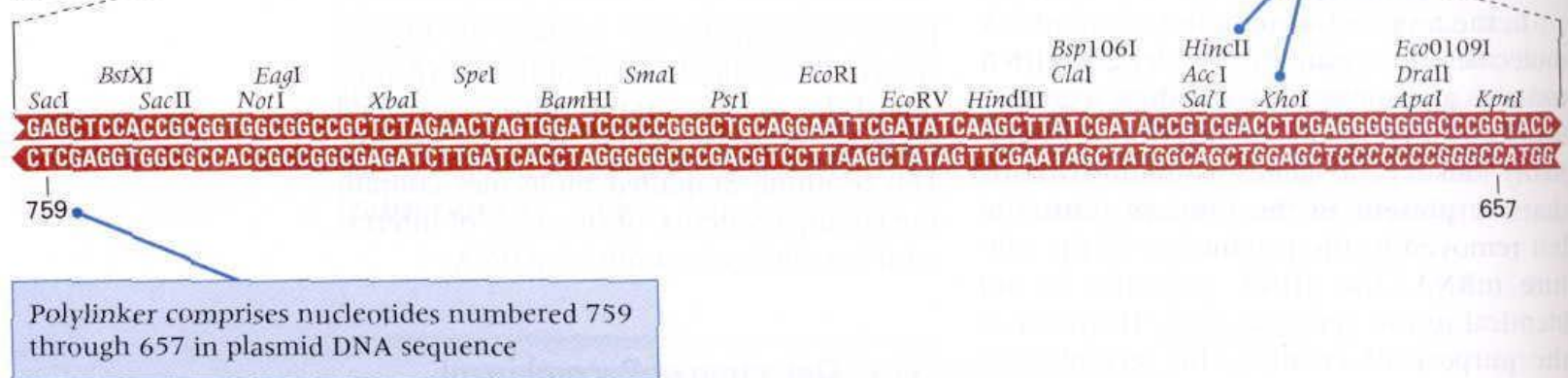

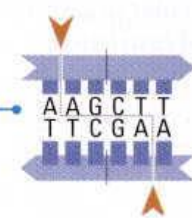

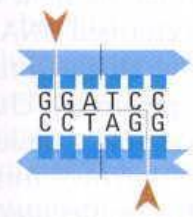
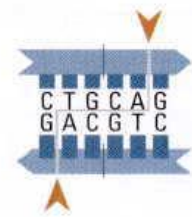






Figure 13.9 (A) Diagram of the cloning vector pBluescript II. It contains a plasmid origin of replication, an ampicillin-resistance gene, a multiple cloning site (polylinker) within a fragment of the *lacZ* gene from *E. coli*, and a bacteriophage origin of replication. (B) Sequence of the multiple cloning site showing the unique restriction sites at which the vector can be opened for the insertion of DNA fragments. The numbers 657 and 759 refer to the position of the base pairs in the complete sequence of pBluescript. [Courtesy of Stratagene Cloning Systems, La Jolla, CA.]

Table 2.3 Some restriction endonucleases, their sources, and their cleavage sites

Enzyme (Microorganism)	Enzyme (Microorganism)	Enzyme (Microorganism)
<p><i>EcoRI</i> (<i>Escherichia coli</i>)</p> 	<p><i>HindIII</i> (<i>Haemophilus influenzae</i>)</p> 	<p><i>AluI</i> (<i>Arthrobacter luteus</i>)</p> 
<p><i>BamHI</i> (<i>Bacillus amyloliquefaciens</i> H)</p> 	<p><i>PstI</i> (<i>Providencia stuartii</i>)</p> 	<p><i>RsaI</i> (<i>Rhodospseudomonas sphaeroides</i>)</p> 
<p><i>HaeII</i> (<i>Haemophilus aegyptus</i>)</p> 	<p><i>TaqI</i> (<i>Thermus aquaticus</i>)</p> 	<p><i>PvuII</i> (<i>Proteus vulgaris</i>)</p> 

Note: The vertical dashed line indicates the axis of symmetry in each sequence. Red arrows indicate the sites of cutting. The enzyme *TaqI* yields cohesive ends consisting of two nucleotides, whereas the cohesive ends produced by the other enzymes contain four nucleotides. Pu and Py refer to any purine and pyrimidine, respectively.

Gewinnung von DNA Fragmenten

Isolierung aus Organismen

gesamte genomische DNA

DNA aus Organellen

Metagenomische DNA

cDNA (über RNA)

PCR – Polymerase Kettenreaktion

spezifische Gene

homologe Familien (degenerierte Primer)

Gensynthese

Oligonukleotide

synthetische Gene

Gentechnik – DNA Technologie

Jede mögliche Sequenzstruktur durch chemische de novo DNA Synthese

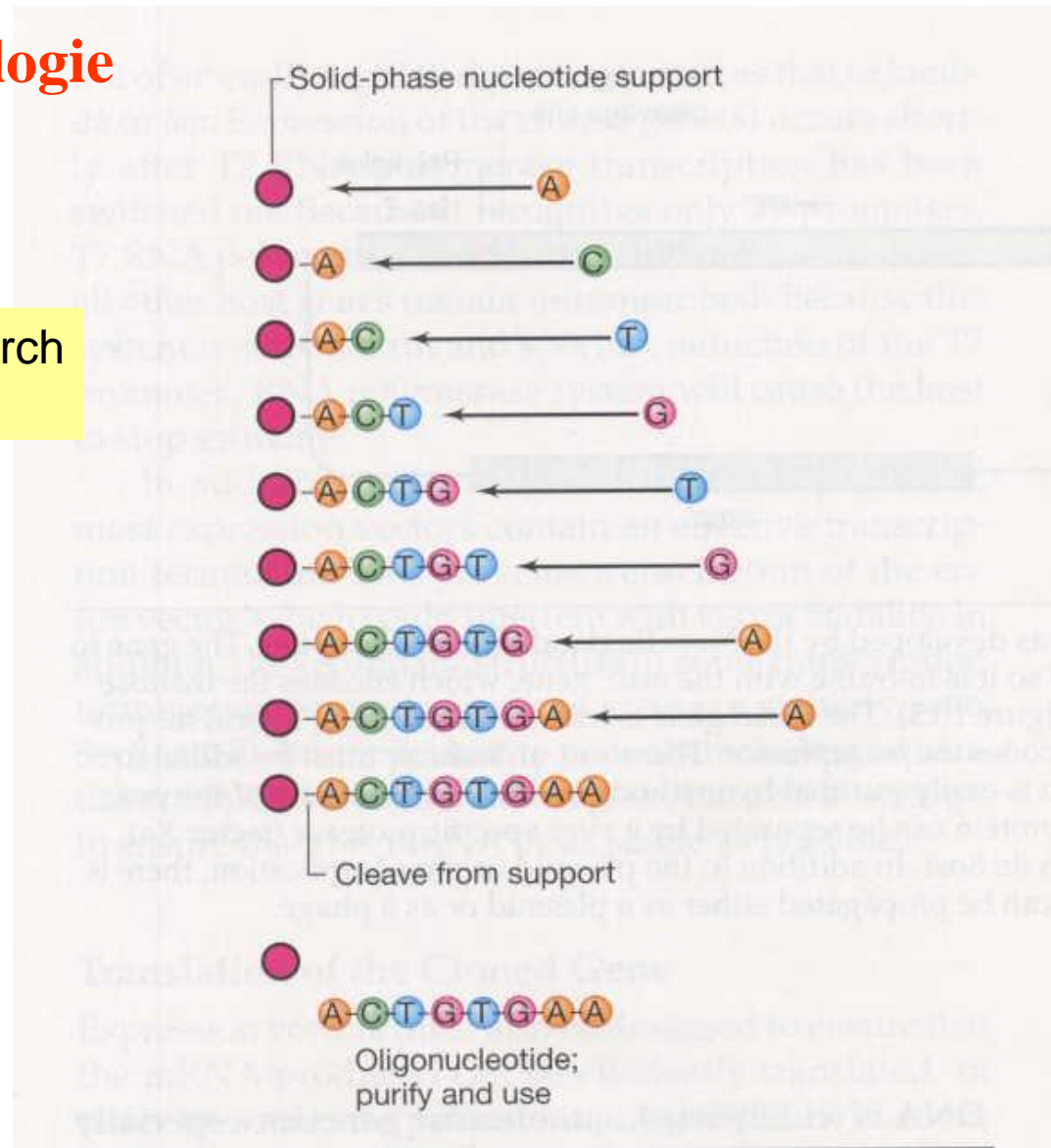
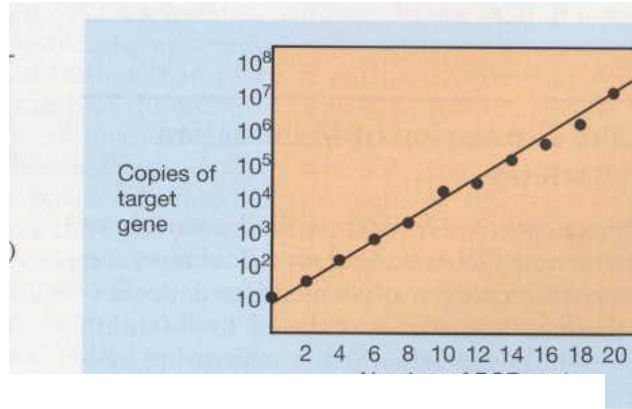


FIGURE 10.10 Solid-phase procedure for synthesis of a DNA fragment of defined sequence. Chemical synthesis proceeds by adding one nucleotide at a time to the growing chain.

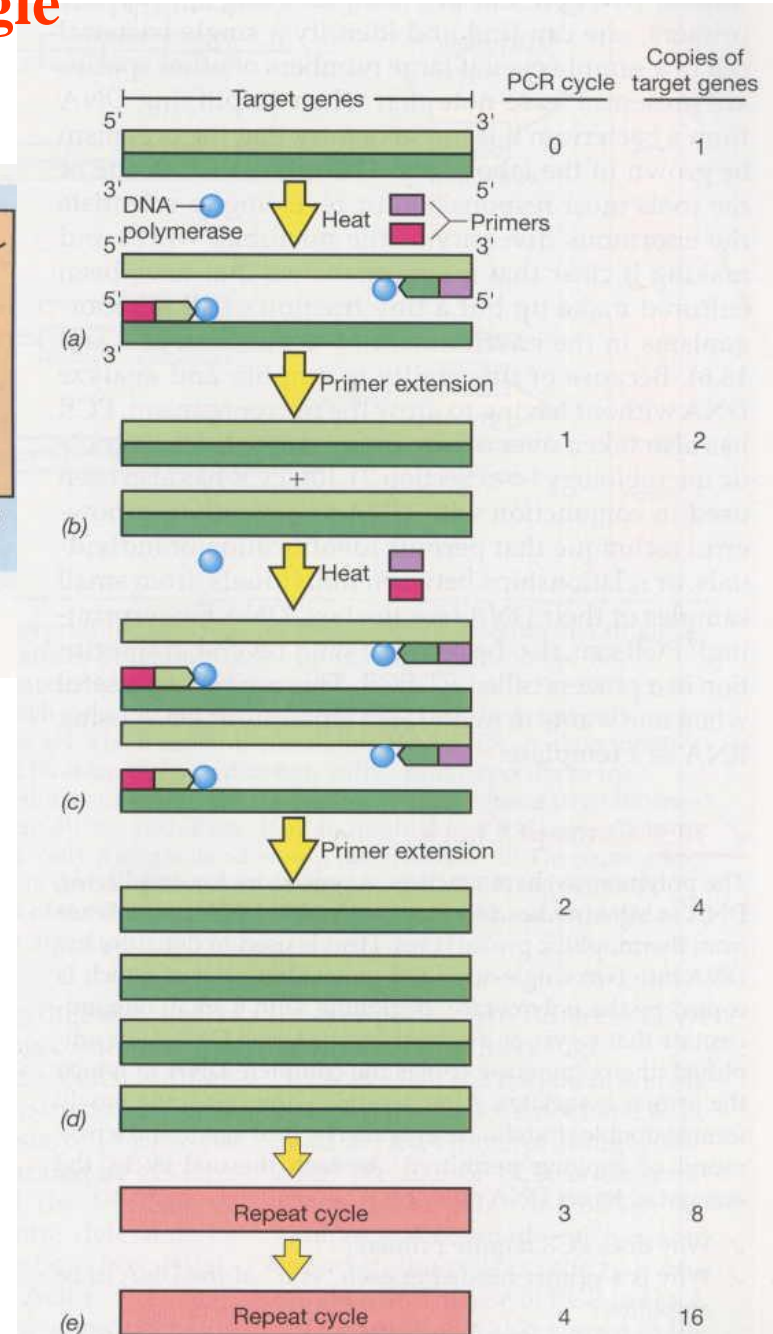
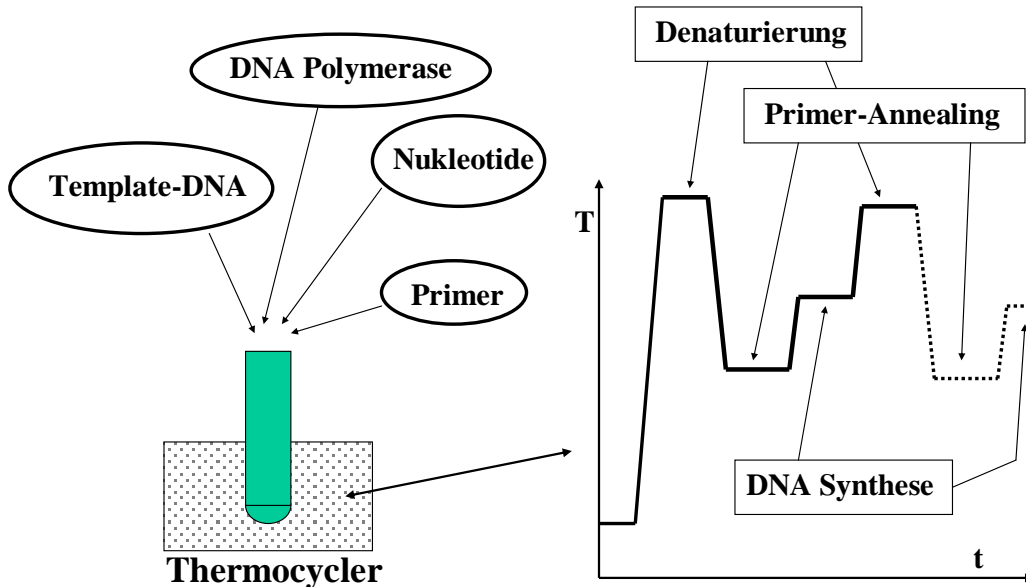
Gentechnik – DNA Technologie

Polymerase Chain Reaction

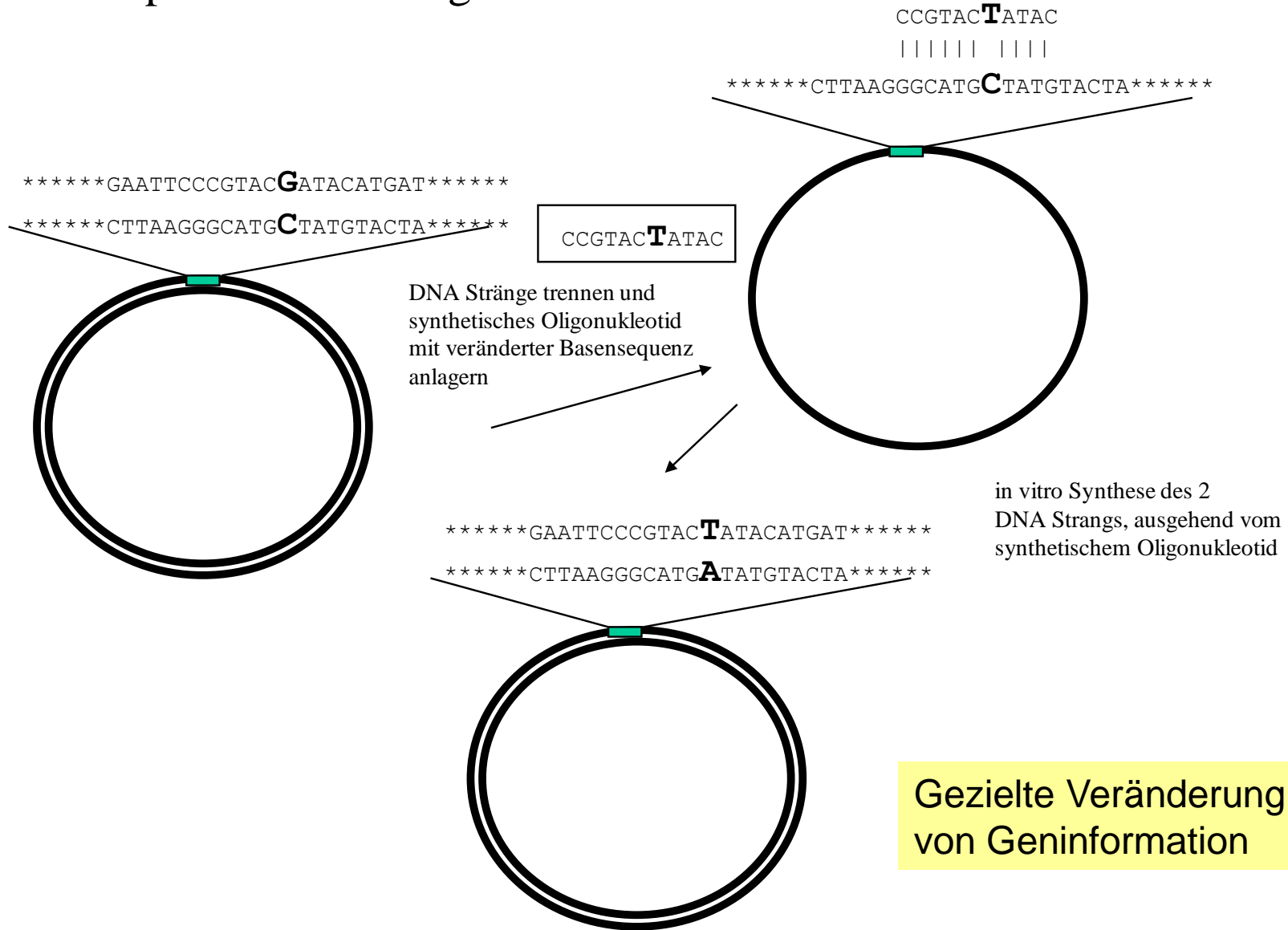
Leichter Zugang
zu Genmaterial



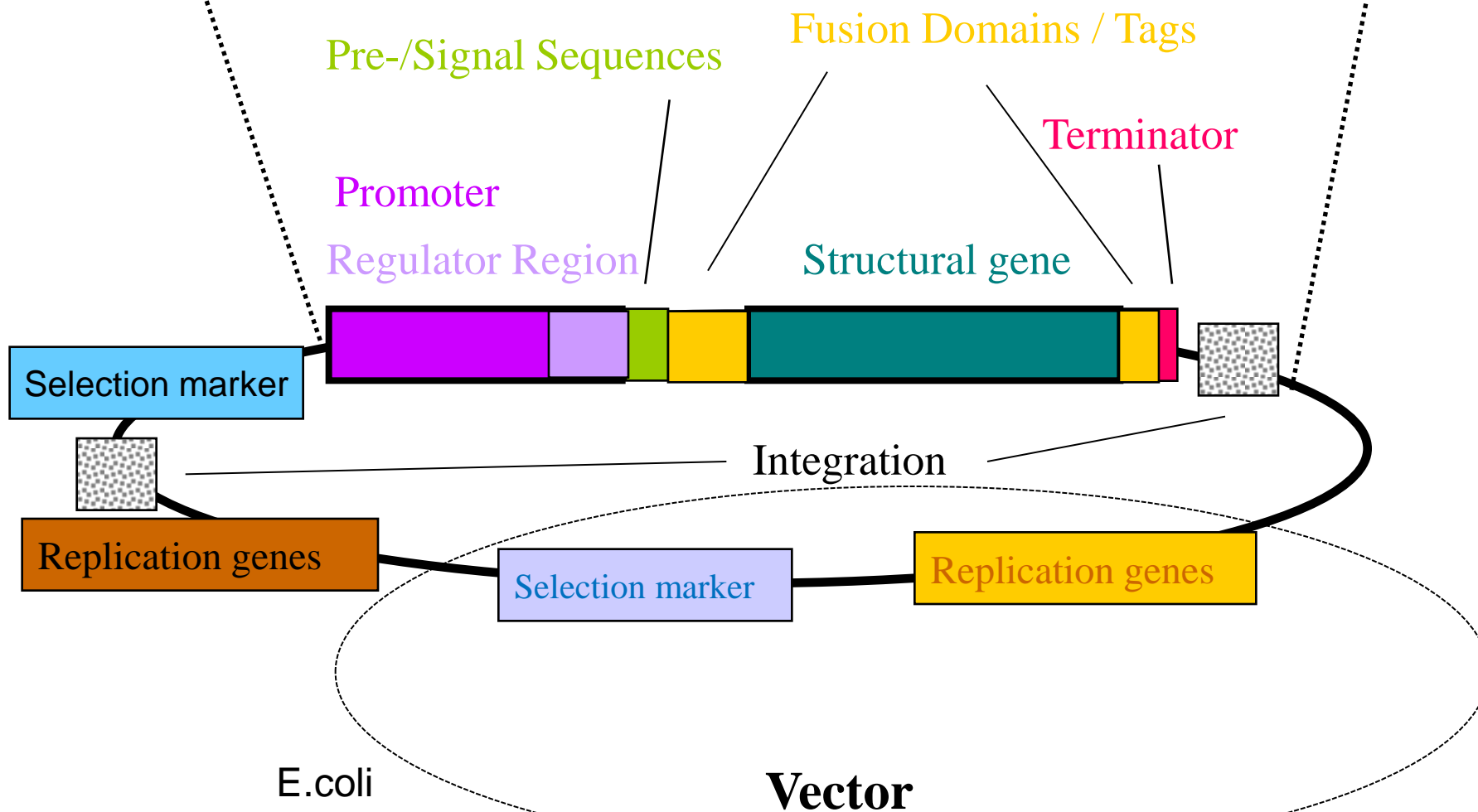
PCR



Stellenspezifische Mutagenese



Expression Cassette



Stammkonservierung

Serieller Transfer

Luftabschluss

- Lagerung unter Mineralöl

Erhalt der Leistungen von Biosystemen

Trocknungsverfahren

- Trocknen an festen Trägern (Glaskugeln, Silicagel, Papier, Porcellan, Erde, etc)
- **Gefriertrocknen mit Schutzmedien** (Milchpulver, etc)

Kryoverfahren

- einfache gekühlte Lagerung (0 – 4 °C)
- Einfrieren mit Schutzmedien (DMSO, Glycerin)
 - **schockgefrieren**
 - **einfrieren bei kontrollierten Raten**
 - Tiefkühlschranklagerung (-20°C, **-70°C**)
 - **Lagerung in flüssigem Stickstoff**)

Geeignete Verfahren

TABLE 11.1 Culture collections that supply cultures of industrial microorganisms^a

Abbreviation	Name	Location
ATCC	American Type Culture Collection	Manassas, VA, United States
CBS	Centraalbureau voor Schimmelculturen	Baarn, The Netherlands
CCM	Czechoslovak Collection of Microorganisms	J. E. Purkyně University, Brno, Czech Republic
CDDA	Canadian Department of Agriculture	Ottawa, Canada
CMI	Commonwealth Mycological Institute	Kew, United Kingdom
DSM	Deutsche Sammlung von Mikroorganismen und Zellkulturen	Braunschweig, Germany
IAM	Institute of Applied Microbiology	University of Tokyo, Japan
NCIB	National Collection of Industrial Bacteria	Aberdeen, Scotland
NCTC	National Collection of Type Cultures	London, England
NRRL	Northern Regional Research Laboratory	Peoria, IL, United States
PCC	Pasteur Culture Collection	Paris, France

^a Listed here are just a few of the general culture collections. Many universities and research laboratories maintain collections of specific microbial groups.

20.11.15